

Data file S6. Protein hubs selected by Betweenness and Centroid centralities by processing protein-protein i for MB49 bladder cancer hubs in CTR, B) Hubs in SFNs-OVA and SFNs-CpG, C) Hubs in SFNs-OVA, D) Hubs in

A)	Gene Name	Betweenness			Centroid			Av.PSMs			LDA	
		CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	F Ratio	Prob>F
	Hmga2	111707			18			0,50	0,00	0,00		
	Rab12	20057			-418			0,17	0,00	0,00		
	Prkcb	18983			-302			0,19	0,00	0,00		
	Bag3	12000			-414			0,15	0,00	0,00		
	Rb1	9883			-332			0,15	0,00	0,00		
	Smad2	9603			-439			0,15	0,00	0,00		
	Apob	9178			-410			0,17	0,00	0,00		
	Rock1	6764			-567			0,15	0,00	0,00		
	Pias3	6684			-736			0,19	0,00	0,00		
	Rabgef1	6620			-726			0,19	0,00	0,00		
	Ccnh	6330			-756			0,19	0,00	0,00		
	Prkcq	5662			-509			0,17	0,00	0,00		
	Kdr	5509			-383			0,19	0,00	0,00		
	Gaa	5430			-718			0,19	0,00	0,00		
	Tlr4	5390			-598			0,15	0,00	0,00		
	Syk	5246			-677			0,56	0,00	0,00		
	Aldh7a1	4868			-693			0,15	0,00	0,00		
	Anxa1	4565	1284	1055	-739	-909	-781	24,46	22,15	16,81		
	Copb2	4128	786		-667	-836		0,56	0,84	0,00		
	Sf3b1	4075			-490			0,15	0,00	0,00		
	Slf1	4049			-719			0,17	0,00	0,00		
	Eif2a	4024			-466			0,45	0,00	0,00		
	Derl1	3581	2324		-671	-874		0,56	0,16	0,00		
	Rpl10a	3547			-395			0,15	0,00	0,00		
	Pdia6	3531	824	197	-747	-846	-734	8,28	10,13	10,40		
	Tep1	3345			-655			0,15	0,00	0,00		
	Stat3	2875			-642			0,15	0,00	0,00		
	Sar1b	2866			-728			0,60	0,00	0,00		
	Myo6	2797			-484			0,15	0,00	0,00		
B)	Gene Name	Betweenness			Centroid			Av.PSMs			LDA	
		CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	F Ratio	Prob>F
	Prkacb		51120	46999		-213	-306	0,00	1,50	1,26	3,3	4,0E-02
	Rac2		15334	16542		-312	-313	0,00	1,14	2,28	4,1	2,1E-02
	Ptpn6		9382	6040		-439	-487	0,00	0,98	4,36	4,9	1,1E-02
	Kat2a		7134	6998		-452	-482	0,00	0,17	0,21		
	Calr		7080	10145		-531	-477	0,00	1,81	0,36	5,5	6,6E-03
	Dnm2		6921	3550		-519	-479	0,00	0,82	0,69		
	Rab8b		6197	10095		-452	-410	0,00	0,85	1,63		
	Eef1b2		5738	3665		-619	-537	0,00	0,17	0,18		
	Clta		5537	3278		-471	-466	0,00	0,65	0,42		
	Csk		4912	5001		-463	-414	0,00	0,49	1,86	3,8	2,6E-02
	Tardbp		3979	4553		-621	-653	0,00	0,82	0,17		
	Sec22b		3721	4098		-761	-639	0,00	0,33	0,97		
	Ckb		3546	4362		-531	-456	0,00	0,51	6,83	4,5	1,4E-02
	Ddb1		3410	2774		-394	-534	0,00	0,17	0,17		
	Cryab		3170	2496		-516	-469	0,00	0,68	0,17		
	Lrp1		2947	2611		-663	-586	0,00	0,82	0,24		
C)	Gene Name	Betweenness			Centroid			Av.PSMs			LDA	
		CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	F Ratio	Prob>F
	Tia1		67385			-123		0,00	0,16	0,00		
	Nfkb1		12600			-288		0,00	0,16	0,00		
	Speg		10822			-668		0,00	0,16	0,00		
	Ssrp1		3973	1112		-777	-742	0,00	1,50	0,24	8,8	6,4E-04
	Copa		3536			-642		0,00	0,16	0,00	4,4	1,6E-02
D)	Gene Name	Betweenness			Centroid			Av.PSMs			LDA	
		CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	F Ratio	Prob>F
	Polr2a			15905			-396	0,00	0,00	0,37		
	Me1			4901			-592	0,00	0,00	4,94	3,5	3,3E-02
	Fabp5			4424			-557	0,00	0,00	1,21	3,4	3,6E-02