Data file S1. Proteins identified by analyzing B16/F10 melanoma model untreated (CTR, n=3 biol. rep x 2 tech. rep), treated with SNFs-OVA (SNFs-OVA, n=3 biol. rep x 2 tech. rep), treated with SNFs-CpG (SNFs-CpG, n=3 biol. rep x 2 tech. rep), treated with SNFs-OVA-CpG (SNFs-OVA-CpG, n=3 biol. rep x 2 tech. rep). Peptide spectru

Annotations					PSMs (B16/F10 MELANOMA MODEL)																										Av. PSMs			
ID UNIPROT	Gene Name	Protein name	MW [kDa]	calc. pI	CTR1	CTR2	CTR3	CTR4	CTR5	CTR6	SNFs-OVA1	SNFs-OVA2	SNFs-OVA3	SNFs-OVA4	SNFs-OVA5	SNFs-OVA6	SFNs-CpG1	SFNs-CpG2	SFNs-CpG3	SFNs-CpG4	SFNs-CpG5	SFNs-CpG6	SFNs-OVA-CpG1	SFNs-OVA-CpG2	SFNs-OVA-CpG3	SFNs-OVA-CpG4	SFNs-OVA-CpG5	SFNs-OVA-CpG6	IF	CTR	SFNs-OVA	SFNs-CpG	SFNs-OVA-CpG
P68134	Acta1	Actin, alpha skeletal muscle	42	5,39	55,6	53,8	35,4	37,3	33,6	39,7	76,5	60,3	63,1	63,4	60,8	60,4	68,9	63,3	71,6	83,8	74,9	68,7	63,2	65,3	57,7	64,2	72,5	70,2	100,0	42,5	64,1	71,9	65,5
V9GXQ2	Actb	Predicted gene 17087	41,7	7,37	77,6	70,8	83,8	82,3	76,7	79,3	94,1	92,3	105,1	112,5	101,4	100,7	113,1	101,4	91,0	98,1	116,2	115,2	102,0	99,2	82,7	89,6	113,0	111,3	100,0	78,4	101,0	105,9	99,6
Q8BFZ3	Actbl2	Beta-actin-like protein 2	42	5,49	35,3	35,0	53,7	56,6	49,2	54,1	43,1	43,5	67,3	67,5	62,8	64,2	67,1	54,0	43,0	44,0	75,8	68,7	56,9	54,8	40,4	45,2	68,4	70,2	100,0	47,3	58,1	58,8	56,0
P63268	Actg2	Actin, gamma-enteric smooth muscle	41,9	5,48	47,6	45,7	34,1	34,7	31,2	37,3	69,5	52,4	58,9	58,3	57,0	56,6	53,3	49,3	63,4	75,7	69,0	63,7	61,4	61,8	51,0	59,7	68,4	66,2	100,0	38,4	58,8	62,4	61,4
A1BN54	Actn1	Alpha actinin 1a	102,7	5,48	6,2	5,4	7,9	9,0	7,2	8,4	6,2	5,3	5,3	7,2	7,7	7,7	5,5	6,5	6,1	6,1	7,9	9,1	5,4	8,7	3,8	5,4	8,3	7,0	100,0	7,3	6,5	6,9	6,5
A0A1L1SV25	Actn4	Alpha-actinin-4	107	5,36	6,2	8,1	9,2	10,3	8,4	9,6	7,0	6,2	5,3	8,2	7,7	7,7	5,5	6,5	6,1	6,1	7,9	9,1	5,4	8,7	3,8	5,4	9,3	7,0	100,0	8,6	7,0	6,9	6,6
P07724	Alb	Albumin	68,6	6,07	69,7	69,9	57,6	55,3	53,9	57,7	17,6	21,3	42,0	44,0	38,6	42,2	46,9	43,7	28,6	32,7	26,6	29,3	25,3	23,5	22,1	27,1	19,7	20,0	100,0	60,7	34,3	34,6	23,0
P47738	Aldh2	Aldehyde dehydrogenase, mitochondrial	56,5	7,62	3,5	4,5	3,9	5,1	3,6	4,8	1,8	4,4	7,4	8,2	8,7	5,8	10,1	12,1	10,2	8,2	7,9	11,1	5,4	8,7	10,6	13,6	4,1	5,0	100,0	4,2	6,0	9,9	7,9
A6ZI44	Aldoa	Fructose-bisphosphate aldolase	45,1	7,91	20,3	17,0	23,6	27,0	25,2	24,0	19,4	21,3	26,3	22,5	24,1	19,2	35,8	36,3	22,5	23,5	14,8	17,2	24,4	23,5	24,0	25,3	19,7	20,0	100,0	22,9	22,1	25,0	22,8
P07356	Anxa2	Annexin A2	38,7	7,69	6,2	8,1	2,6	2,6	3,6	2,4	6,2	4,4	5,3	8,2	7,7	5,8	4,6	6,5	8,2	8,2	5,9	10,1	3,6	2,6	2,9	5,4	2,1	3,0	100,0	4,2	6,3	7,2	3,3
P48036	Anxa5	Annexin A5	35,7	4,96	11,5	14,3	17,0	16,7	14,4	13,2	12,3	12,4	11,6	17,4	13,5	16,3	19,3	16,7	11,2	18,4	13,8	13,1	20,8	20,9	14,4	15,4	16,6	16,0	100,0	14,5	13,9	15,4	17,3
Q99PT1	Arhgdia	Rho GDP-dissociation inhibitor 1	23,4	5,2	1,8	1,8	3,9	2,6	2,4	3,6	1,8	1,8	3,2	4,1	1,9	2,9	4,6	3,7	2,0	4,1	5,9	4,0	2,7	2,6	3,8	1,8	6,2	7,0	100,0	2,7	2,6	4,1	4,0
Q03265	Atp5f1a	ATP synthase subunit alpha, mitochondrial	59,7	9,19	24,7	26,9	40,6	38,6	37,2	37,3	21,1	22,2	34,7	37,8	33,8	29,7	29,4	28,8	24,5	21,5	34,5	42,5	29,8	31,3	30,8	19,0	30,1	34,1	100,0	34,2	29,9	30,2	29,2
P56480	Atp5f1b	ATP synthase subunit beta, mitochondrial	56,3	5,34	42,3	37,7	44,5	41,1	39,6	31,2	40,5	39,9	56,7	58,3	52,1	58,5	67,1	61,4	41,9	31,7	69,0	50,5	56,0	51,4	50,0	41,6	49,7	56,1	100,0	39,4	51,0	53,6	50,8
P35564	Canx	Calnexin	67,2	4,64	3,5	3,6	2,6	5,1	6,0	3,6	3,5	6,2	5,3	5,1	5,8	3,8	14,7	16,7	3,1	4,1	4,9	7,1	9,9	12,2	3,8	3,6	5,2	4,0	100,0	4,1	5,0	8,4	6,5
P80314	Cct2	T-complex protein 1 subunit beta	57,4	6,4	8,8	9,0	15,7	14,1	16,8	15,6	6,2	7,1	8,4	9,2	7,7	9,6	3,7	5,6	4,1	6,1	9,9	11,1	5,4	4,4	5,8	5,4	9,3	11,0	100,0	13,3	8,0	6,7	6,9
P80318	Cct3	T-complex protein 1 subunit gamma	60,6	6,7	4,4	3,6	6,5	5,1	6,0	4,8	6,2	5,3	4,2	3,1	3,9	3,8	1,8	1,9	1,0	4,1	3,0	3,0	1,8	1,7	2,9	3,6	4,1	3,0	100,0	5,1	4,4	2,5	2,9
Q52KG9	Cct6a	Chaperonin containing Tcp1, subunit 6a (Zeta)	58	6,9	5,3	5,4	5,2	5,1	4,8	6,0	8,8	2,7	2,1	2,0	8,7	9,6	7,4	8,4	2,0	5,1	4,9	6,1	7,2	6,1	5,8	2,7	3,1	5,0	100,0	5,3	5,6	5,6	5,0
Q04447	Ckb	Creatine kinase B-type	42,7	5,67	19,4	25,1	21,0	14,1	20,4	20,4	27,3	27,5	24,2	22,5	24,1	23,0	16,5	13,0	18,4	17,4	17,7	21,2	17,2	17,4	19,2	22,6	17,6	16,0	100,0	20,1	24,8	17,4	18,3
Q68FD5	Cltc	Clathrin heavy chain 1	191,4	5,69	14,1	11,7	9,2	6,4	9,6	4,8	20,2	23,1	21,0	19,4	21,2	21,1	17,5	15,8	18,4	16,4	15,8	18,2	18,1	20,0	16,4	15,4	18,7	15,0	100,0	9,3	21,0	17,0	17,2
Q01149	Col1a2	Collagen alpha-2(I) chain	129,5	9,19	7,9	8,1	10,5	9,0	2,4	1,2	7,0	9,8	7,4	8,2	6,8	7,7	3,7	3,7	18,4	17,4	4,9	4,0	9,0	9,6	14,4	15,4	3,1	2,0	100,0	6,5	7,8	8,7	8,9
E9PWQ3	Col6a3	Collagen, type VI, alpha 3	353,7	6,93	5,3	4,5	9,2	7,7	15,6	12,0	14,1	12,4	5,3	3,1	7,7	7,7	12,9	14,9	26,6	28,6	18,7	16,2	9,9	7,0	5,8	7,2	42,5	41,1	100,0	9,0	8,4	19,6	18,9
Q501J6	Ddx17	Probable ATP-dependent RNA helicase DDX17	72,4	8,59	2,6	3,6	2,6	5,1	2,4	2,4	1,8	2,7	3,2	2,0	3,9	3,8	1,8	1,9	3,1	4,1	2,0	3,0	4,5	6,1	4,8	3,6	4,1	4,0	100,0	3,1	2,9	2,6	4,5
Q62167	Ddx3x	ATP-dependent RNA helicase DDX3X	73,1	7,18	5,3	6,3	3,9	3,9	3,6	4,8	8,8	9,8	7,4	3,1	8,7	8,6	3,7	2,8	4,1	6,1	4,9	6,1	9,9	12,2	6,7	9,0	8,3	8,0	100,0	4,6	7,7	4,6	9,0
Q61656	Ddx5	Probable ATP-dependent RNA helicase DDX5	69,2	8,92	6,2	8,1	2,6	5,1	2,4	2,4	7,0	7,1	6,3	5,1	4,8	7,7	2,8	3,7	7,2	8,2	3,9	5,1	8,1	9,6	8,7	7,2	4,1	4,0	100,0	4,5	6,3	5,1	7,0
P31001	Des	Desmin	53,5	5,27	7,1	3,6	2,6	5,1	4,8	3,6	7,0	8,0	6,3	5,1	3,9	4,8	3,7	4,7	10,2	10,2	5,9	4,0	8,1	6,1	8,7	9,0	6,2	8,0	100,0	4,5	5,8	6,5	7,7
O08553	Dpysl2	Dihydropyrimidinase-related protein 2	62,2	6,38	2,6	4,5	3,9	6,4	7,2	3,6	1,8	2,7	4,2	3,1	3,9	1,9	1,8	3,7	4,1	4,1	2,0	2,0	0,9	1,7	3,8	3,6	5,2	5,0	100,0	4,7	2,9	3,0	3,4
Q9JHU4	Dync1h1	Cytoplasmic dynein 1 heavy chain 1	531,7	6,42	4,4	4,5	6,5	3,9	2,4	2,4	5,3	5,3	3,2	2,0	1,9	5,8	3,7	4,7	3,1	6,1	5,9	3,0	8,1	10,4	3,8	2,7	5,2	7,0	100,0	4,0	3,9	4,4	6,2
P10126	Eef1a1	Elongation factor 1-alpha 1	50,1	9,01	37,1	37,7	13,1	15,4	14,4	13,2	40,5	46,1	31,5	30,7	30,9	25,9	20,2	20,5	25,6	26,6	28,6	27,3	19,0	21,8	29,8	23,5	19,7	22,1	100,0	21,8	34,3	24,8	22,6
Q80T06	Eef1d	Elongation factor 1-delta	31,3	5,06	1,8	1,8	5,2	5,1	6,0	7,2	2,6	2,7	5,3	6,1	4,8	5,8	5,5	3,7	3,1	2,0	4,9	4,0	4,5	2,6	1,9	2,7	5,2	6,0	100,0	4,5	4,5	3,9	3,8
Q9D8N0	Eef1g	Elongation factor 1-gamma	50	6,74	4,4	4,5	2,6	5,1	3,6	3,6	3,5	3,5	6,3	6,1	5,8	6,7	3,7	1,9	8,2	5,1	2,0	4,0	1,8	3,5	6,7	9,0	4,1	4,0	100,0	4,0	5,3	4,1	4,9
P58252	Eef2	Elongation factor 2	95,3	6,83	15,9	13,4	19,6	18,0	22,8	18,0	17,6	16,0	20,0	18,4	20,3	23,0	13,8	12,1	13,3	20,4	16,7	17,2	20,8	18,3	21,2	18,1	16,6	18,0	100,0	18,0	19,2	15,6	18,8
P60843	Eif4a1	Eukaryotic initiation factor 4A-I	46,1	5,48	9,7	9,9	11,8	11,6	9,6	10,8	8,8	12,4	11,6	11,2	10,6	10,5	5,5	8,4	6,1	9,2	12,8	9,1	6,3	6,1	8,7	7,2	13,5	16,0	100,0	10,6	10,9	8,5	9,6
P10630	Eif4a2	Eukaryotic initiation factor 4A-II	46,4	5,48	7,1	7,2	5,2	3,9	4,8	4,8	7,0	9,8	8,4	9,2	6,8	6,7	4,6	6,5	4,1	7,2	9,9	8,1	6,3	5,2	6,7	5,4	6,2	8,0	100,0	5,5	8,0	6,7	6,3
P17182	Eno1	Alpha-enolase	47,1	6,8	30,9	31,4	66,8	59,1	55,1	50,5	40,5	40,8	50,4	47,0	41,5	39,3	36,8	37,2	28,6	26,6	29,6	32,3	56,0	47,9	32,7	39,8	39,4	37,1	100,0	49,0	43,3	31,9	42,1
P10404	env	MLV-related proviral Env polyprotein	69,6	7,96	2,6	1,8	2,6	2,6	1,2	1,2	2,6	3,5	5,3	4,1	1,9	3,8	2,8	3,7	4,1	4,1	3,0	3,0	3,6	3,5	1,9	3,6	2,1	2,0	100,0	2,0	3,5	3,4	2,8
P19096	Fasn	Fatty acid synthase	272,3	6,58	15,0	11,7	19,6	20,6	20,4	16,8	22,0	22,2	27,3	26,6	29,0	30,7	27,6	23,3	12,3	16,4	23,6	16,2	25,3	22,6	23,1	22,6	17,6	19,0	100,0	17,3	26,3	19,9	21,7
Q8VCM7	Fgg	Fibrinogen gamma chain	49,4	5,86	19,4	21,5	13,1	10,3	13,2	12,0	1,8	1,8	6,3	6,1	6,8	8,6	3,7	3,7	9,2	14,3	33,5	34,4	2,7	3,5	6,7	7,2	5,2	3,0	100,0	14,9	5,2	16,5	4,7
A0A087WS56	Fn1	Fibronectin	249,4	5,82	15,9	16,1	24,9	21,9	19,2	20,4	1,8	0,9	7,4	6,1	7,7	8,6	3,7	3,7	17,4	17,4	53,2	56,6	2,7	2,6	4,8	5,4	10,4	10,0	100,0	19,7	5,4	25,3	6,0
V9GX06	Gapdh	Predicted gene 11214 (Fragment)	19,9	7,42	8,8	13,4	2,6	3,9	7,2	6,0	17,6	15,1	15,8	17,4	12,6	18,2	19,3	23,3	19,4	20,4	10,8	10,1	24,4	24,4	26,0	22,6	9,3	10,0	100,0	7,0	16,1	17,2	19,4
A0A1D5RLD8	Gm10358	Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase	35,8	8,25	48,5	62,8	45,8	52,7	52,7	56,5	73,9	77,2	90,4	94,1	85,0	91,1	91,0	94,9	75,7	65,4	71,9	75,8	80,3	81,0	74,1	71,5	68,4	62,1	100,0	53,2	85,3	79,1	72,9
P05202	Got2	Aspartate aminotransferase, mitochondrial	47,4	9	5,3	0,9	6,5	5,1	4,8	7,2	4,4	4,4	6,3	6,1	3,9	4,8	6,4	3,7	4,1	2,0	2,0	2,0	8,1	6,1	2,9	2,7	3,1	4,0	100,0	5,0	5,0	3,4	4,5
P06745	Gpi	Glucose-6-phosphate isomerase	62,7	8,13	7,1	5,4	18,3	15,4	18,0	20,4	10,6	10,6	18,9	15,3	13,5	15,3	15,6	15,8	13,3	12,3	9,9	9,1	10,8	13,1	13,5	12,7	11,4	13,0	100,0	14,1	14,1	12,7	12,4
P19157	Gstp1	Glutathione S-transferase P 1	23,6	7,87	1,8	2,7	6,5	6,4	6,0	6,0	4,4	2,7	3,2	6,1	3,9	1,9	3,7	3,7	3,1	4,1	6,9	5,1	3,6	3,5	4,8	6,3	5,2	8,0	100,0	4,9	3,7	4,4	5,2
Q8CGP4	H2ac1	Histone H2A	14	11,21	22,1	19,7	44,5	34,7	40,8	39,7	22,9	24,8	31,5	32,7	29,0	27,8	35,8	33,5	20,5	23,5	34,5	34,4	34,3	30,5	23,1	19,0	33,2	37,1	100,0	33,6	28,1	30,4	29,5
Q64523	H2ac20	Histone H2A type 2-C	14	10,9	28,2	31,4	43,2	36,0	40,8	36,1	37,0	34,6	34,7	35,8	32,8	31,6	47,8	41,9	33,7	33,7	38,4	36,4	37,9	36,6	36,5	33,5	44,6	42,1	100,0	35,9	34,4	38,7	38,5
Q64522	H2ac21	Histone H2A type 2-B	14	10,89	14,1	17,0	19,6	24,4	24,0	21,6	22,9	18,6	20,0	21,5	19,3	16,3	30,3	23,3	21,5	23,5	21,7	25,3	20,8	20,9	22,1	24,4	30,1	24,1	100,0	20,1	19,8	24,3	23,7
Q8BFU2	H2aw	Histone H2A type 3	14,1	11,05	29,1	26,9	44,5	34,7	40,8	39,7	31,7	30,2	31,5	32,7	29,0	27,8	39,5	40,0	30,7	28,6	35,5	35,4	34,3	32,2	35,6	29,9	36,3	39,1	100,0	35,9	30,5	34,9	34,6
Q3THW5	H2az2	Histone H2A.V	13,5	10,58	14,1	12,6	7,9	7,7	7,2	7,2	12,3	14,2	13,7	13,3	12,6	13,4	15,6	14,0	14,3	15,3	13,8	14,2	20,8	15,7	17,3	16,3	10,4	11,0	100,0	9,4	13,2	14,5	15,2
P70696	H2bc1	Histone H2B type 1-A	14,2	10,29	12,4	9,9	9,2	9,0	7,2	13,2	12,3	12,4	8,4	8,2	7,7	6,7	10,1	5,6	15,3	17,4	7,9	5,1	4,5	5,2	13,5	12,7	9,3	5,0	100,0	10,1	9,3	10,2	8,4
Q64475	H2bc3	Histone H2B type 1-B	13,9	10,32	30,9	26,9	34,1	33,4	27,6	32,4	34,3	32,8	34,7	31,7	33,8	27,8	35,8	31,6	38,9	34,8	33,5	30,3	26,2	25,2	30,8	34,4	36,3	29,1	100,0	30,9	32,5	34,2	30,3
P84244	H3-3a	Histone H3.3	15,3	11,27	21,2	18,8	11,8	7,7	10,8	8,4	22,9	24,8	10,5	15,3	11,6	12,5	11,9	14,0	26,6	23,5	7,9	8,1	9,9	11,3	21,2	24,4	6,2	6,0	100,0	13,1	16,3	15,3	13,2
P62806	H4c1	Histone H4	11,4	11,36	64,4	62,8	35,4	36,0	37,2	36,1	60,7	60,3	59,9	50,1	54,1	54,7	75,4	78,2	63,4	54,2	48,3	40,4	46,0	44,4	57,7	55,2	37,3	40,1	100,0	45,3	56,6	60,0	46,8
Q91VB8	Hba-a1	Alpha globin 1	15,1	8,22	33,5	28,7	117,9	127,3	109,1	108,2	4,4	4,4	30,5	36,8	38,6	37,4	26,7	28,8	13,3	12,3	28,6	25,3	21,7	23,5	15,4	15,4	23,8	30,1	100,0	87,4	25,4	22,5	21,6
P02089	Hbb-b2	Hemoglobin subunit beta-2	15,9	8,05	7,9	11,7	22,3	19,3	21,6	28,8	3,5	3,5	9,5	9,2	8,7	7,7	10,1	9,3	6,1	7,2	6,9	6,1	17,2	12,2	5,8	8,1	6,2	6,0	100,0	18,6	7,0	7,6	9,2
A8DUK4	Hbb-bs	Beta-globin	15,7	7,69	58,2	66,3	290,8	291,8	237,4	264,4	13,2	10,6	36,8	37,8	33,8	28,8	39,5	37,2	22,5	24,5	28,6	21,2	46,9	38,3	21,2	19,9	26,9	32,1	100,0	201,5	26,8	28,9	30,9
Q64525	Hist2h2bb	Histone H2B type 2-B	13,9	10,32	30,9	26,9	34,1	33,4	27,6	32,4	34,3	33,7	34,7	32,7	35,7	29,7	36,8	32,6	37,8	32,7	35,5	32,3	28,0	26,1	31,7	35,3	37,3	30,1	100,0	30,9	33,5	34,6	31,4
P61979	Hnrnpk	Heterogeneous nuclear ribonucleoprotein K	50,9	5,54	8,8	9,0	3,9	6,4	6,0	4,8	8,8	11,5	8,4	12,3	10,6	10,5	7,4	7,4	10,2	7,2	8,9	7,1	12,6	7,8	7,7	10,9	8,3	7,0	100,0	6,5	10,4	8,0	9,1
P07901	Hsp90aa1	Heat shock protein HSP 90-alpha	84,7	5,01	20,3	20,6	19,6	15,4	15,6	16,8	32,6	28,4	35,7	32,7	31,9	34,5	25,7	31,6	20,5	23,5	20,7	20,2	37,9	38,3	27,9	25,3	20,7	20,0	100,0	18,1	32,6	23,7	28,4
P11499	Hsp90ab1	Heat shock protein HSP 90-beta	83,2	5,03	33,5	41,2	31,4	27,0	31,2	28,8	45,7	43,5	50,4	45,0	43,5	41,2	41,4	42,8	32,7	35,8	30,5	28,3	46,9	42,7	35,6	34,4	34,2	34,1	100,0	32,2	44,9	35,3	38,0
P08113	Hsp90b1	Endoplasmin	92,4	4,82	15,9	15,2	14,4	16,7	10,8	16,8	23,8	23,1	16,8	16,4	21,2	19,2	14,7	15,8	9,2	14,3	14,8	10,1	15,3	13,9	16,4	17,2	18,7	12,0	100,0	15,0	20,1	13,2	15,6
Q61696	Hspa1a	Heat shock 70 kDa protein 1A	70	5,72	4,4	3,6	6,5	5,1	4,8	4,8	3,5	3,5	6,3	6,1	5,8	4,8	5,5	5,6	4,1	6,1	5,9	6,1	8,1	7,0	5,8	7,2	5,2	5,0	100,0	4,9	5,0	5,5	6,4
P17156	Hspa2	Heat shock-related 70 kDa protein 2	69,6	5,67	15,9	13,4	18,3	18,0	16,8	13,2	15,0	14,2	21,0	19,4	20,3	18,2	20,2	20,5	13,3	18,4	20,7	23,3	20,8	17,4	19,2	18,1	17,6	19,0	100,0	15,9	18,0	19,4	18,7
P20029	Hspa5	Endoplasmic reticulum chaperone BiP	72,4	5,16	21,2	15,2	30,1	28,3	31,2	27,6	22,9	25,7	29,4	31,7	26,1	25,9	29,4	36,3	28,6	24,5	25,6	27,3	29,8	25,2	26,0	28,9	28,0	27,1	100,0	25,6	26,9	28,6	27,5
P63017	Hspa8	Heat shock cognate 71 kDa protein	70,8	5,52	29,1	26,0	34,1	36,0	33,6	30,0	30,8	37,3	49,4	49,1	37,7	49,9	31,3	34,4	32,7	35,8	47,3	52,6	44,2	38,3	48,1	47,0	39,4	39,1	100,0	31,5	42,3	39,0	42,7
P63038	Hspd1	60 kDa heat shock protein, mitochondrial	60,9	6,18	30,9	36,8	60,2	52,7	73,1	68,5	29,9	30,2	36,8	35,8	63,7	58,5	49,6	42,8	21,5	23,5	50,2	50,5	47,8	47,0	28,9	37,1	47,7	55,1	100,0	53,7	42,5	39,7	43,9
P03975	Iap	IgE-binding protein	62,7	9,31	7,9	8,1	17,0	19,3	19,2	15,6	15,8	12,4	20,0	20,4	16,4	19,2	5,5	11,2	5,1	4,1	14,8	14,2	15,3	14,8	12,5	9,0	10,4	11,0	100,0	14,5	17,4	9,1	12,2
P70168	Kpnb1	Importin subunit beta-1	97,1	4,78	1,8	1,8	5,2	3,9	3,6	4,8	4,4	4,4	4,2	3,1	1,9	4,8	1,8	1,9	2,0	2,0	4,9	2,0	4,5	4,4	2,9	2,7	3,1	2,0	100,0	3,5	3,8	2,5	3,3
A0A1B0GSX0	Ldha	L-lactate dehydrogenase	39,7	8,35	19,4	21,5	18,3	14,1	18,0	12,0	25,5	24,0	24,2	20,4	28,0	27,8	15,6	15,8	13,3	16,4	12,8	14,2	12,6	13,9	19,2	15,4	9,3	9,0	100,0	17,2	25,0	14,7	13,3
P48678	Lmna	Prelamin-A/C	74,2	6,98	11,5	12,6	7,9	11,6	8,4	7,2	11,4	11,5	11,6	8,2	11,6	6,7	3,7	1,9	10,2	9,2	5,9	5,1	8,1	7,0	11,5	10,0	8,3	8,0	100,0	9,8	10,2	6,0	8,8
P08249	Mdh2	Malate dehydrogenase, mitochondrial	35,6	8,68	4,4	4,5	14,4	15,4	20,4	14,4	5,3	6,2	16,8	14,3	11,6	13,4	11,9	14,0	8,2	10,2	7,9	9,1	13,5	12,2	5,8	4,5	10,4	10,0	100,0	12,3	11,3	10,2	9,4
P00405	Mtco2	Cytochrome c oxidase subunit 2	26	4,73	4,4	3,6	6,5	5,1	3,6	4,8	7,0	7,1	6,3	8,2	3,9	5,8	8,3	9,3	5,1	5,1	7,9	8,1	10,8	10,4	7,7	4,5	8,3	10,0	100,0	4,7	6,4	7,3	8,6
Q8VDD5	Myh9	Myosin-9	226,2	5,66	12,4	7,2	22,3	23,1	28,8	20,4	7,9	10,6	4,2	5,1	9,7	6,7	16,5	10,2	19,4	12,3	30,5	23,3	7,2	7,8	7,7	5,4	30,1	25,1	100,0	19,0	7,4	18,7	13,9
A0A1W2P7Q9	Myl6	Myosin light polypeptide 6	17,7	4,65	5,3	4,5	5,2	6,4	9,6	8,4	3,5	0,9	6,3	5,1	4,8	5,8	2,8	5,6	4,1	4,1	6,9	6,1	7,2	6,1	3,8	3,6	3,1	6,0	100,0	6,6	4,4	4,9	5,0
P09405	Ncl	Nucleolin	76,7	4,75	11,5	16,1	3,9	6,4	6,0	7,2	13,2	12,4	17,9	12,3	13,5	9,6	11,0	10,2	9,2	8,2	13,8	16,2	9,0	8,7	14,4	18,1	9,3	8,0	100,0	8,5	13,1	11,4	11,3
Q61937	Npm1	Nucleophosmin	32,5	4,77	7,9	4,5	7,9	7,7	4,8	6,0	5,3	6,2	10,5	9,2	9,7	9,6	10,1	7,4	2,0	4,1	10,8	9,1	9,0	5,2	7,7	6,3	11,4	9,0	100,0	6,5	8,4	7,3	8,1
P09103	P4hb	Protein disulfide-isomerase	57	4,88	15,0	18,8	19,6	14,1	18,0	13,2	22,0	18,6	14,7	11,2	14,5	14,4	16,5	19,5	10,2	14,3	6,9	3,0	9,9	11,3	11,5	12,7	12,4	12,0	100,0	16,5	15,9	11,8	11,7
P27773	Pdia3	Protein disulfide-isomerase A3	56,6	6,21	6,2	8,1	13,1	10,3	7,2	10,8	8,8	11,5	10,5	10,2	11,6	12,5	16,5	14,9	6,1	8,2	12,8	13,1	13,5	12,2	11,5	10,0	9,3	12,0	100,0	9,3	10,9	11,9	11,4
Q3TML0	Pdia6	Protein disulfide-isomerase A6	48,7	5,19	1,8	0,9	9,2	9,0	14,4	15,6	4,4	4,4	9,5	11,2	9,7	10,5	9,2	4,7	1,0	4,1	8,9	10,1	8,1	7,8	4,8	7,2	9,3	13,0	100,0	8,5	8,3	6,3	8,4
Q9DBJ1	Pgam1	Phosphoglycerate mutase 1	28,8	7,18	12,4	11,7	5,2	3,9	1,2	2,4	17,6	12,4	9,5	10,2	11,6	12,5	24,8	24,2	15,3	16,4	4,9	4,0	19,9	16,5	19,2	12,7	13,5	13,0	100,0	6,1	12,3	14,9	15,8
P09411	Pgk1	Phosphoglycerate kinase 1	44,5	7,9	18,5	18,8	17,0	18,0	20,4	16,8	19,4	19,5	26,3	29,6	24,1	24,9	29,4	35,4	12,3	16,4	20,7	25,3	21,7	27,9	20,2	19,9	19,7	21,0	100,0	18,3	24,0	23,2	21,7
P67778	Phb	Prohibitin	29,8	5,76	4,4	6,3	11,8	14,1	9,6	10,8	5,3	4,4	5,3	9,2	4,8	4,8	2,8	4,7	3,1	5,1	7,9	8,1	2,7	3,5	7,7	7,2	3,1	4,0	100,0	9,5	5,6	5,3	4,7
O35129	Phb2	Prohibitin-2	33,3	9,83	13,2	15,2	11,8	10,3	12,0	12,0	16,7	18,6	14,7	14,3	11,6	16,3	12,9	14,9	12,3	7,2	6,9	7,1	14,4	13,9	15,4	14,5	7,3	8,0	100,0	12,4	15,4	10,2	12,3
Q61753	Phgdh	D-3-phosphoglycerate dehydrogenase	56,5	6,54	1,8	1,8	5,2	5,1	4,8	4,8	3,5	8,0	6,3	3,1	3,9	5,8	5,5	6,5	3,1	2,0	3,0	2,0	0,9	1,7	5,8	2,7	5,2	4,0	100,0	3,9	5,1	3,7	3,4
G3X925	Pklr	Pyruvate kinase	62,2	7,09	4,4	1,8	3,9	2,6	3,6	3,6	3,5	0,9	4,2	4,1	4,8	3,8	3,7	3,7	5,1	4,1	3,9	4,0	3,6	3,5	5,8	2,7	4,1	4,0	100,0	3,3	3,6	4,1	4,0
P52480	Pkm	Pyruvate kinase PKM	57,8	7,47	71,5	76,2	57,6	56,6	68,3	64,9	87,1	96,7	76,7	75,7	76,3	69,0	72,6	71,6	77,7	84,9	57,1	51,6	62,3	69,6	94,3	100,4	53,9	50,1	100,0	65,8	80,3	69,3	71,8
Q62009	Postn	Periostin	93,1	7,53	1,8	0,9	1,3	1,3	2,4	2,4	0,9	2,7	2,1	3,1	2,9	3,8	2,8	2,8	4,1	2,0	7,9	6,1	2,7	2,6	1,9	1,8	8,3	8,0	100,0	1,7	2,6	4,3	4,2
P17742	Ppia	Peptidyl-prolyl cis-trans isomerase A	18	7,9	22,9	18,8	18,3	19,3	20,4	19,2	25,5	24,0	29,4	24,5	23,2	23,0	32,2	28,8	24,5	20,4	14,8	18,2	25,3	22,6	27,9	27,1	20,7	19,0	100,0	19,8	24,9	23,2	23,8
P35700	Prdx1	Peroxiredoxin-1	22,2	8,12	12,4	11,7	11,8	12,9	8,4	9,6	8,8	13,3	17,9	21,5	17,4	19,2	23,9	22,3	14,3	15,3	10,8	12,1	19,9	20,9	17,3	19,0	10,4	10,0	100,0	11,1	16,3	16,5	16,2
Q61171	Prdx2	Peroxiredoxin-2	21,8	5,41	3,5	3,6	5,2	6,4	4,8	4,8	1,8	2,7	4,2	2,0	2,9	3,8	6,4	7,4	3,1	4,1	2,0	4,0	1,8	2,6	3,8	3,6	3,1	3,0	100,0	4,7	2,9	4,5	3,0
P68040	Rack1	Receptor of activated protein C kinase 1	35,1	7,69	5,3	7,2	2,6	3,9	1,2	1,2	6,2	6,2	4,2	5,1	6,8	7,7	5,5	3,7	8,2	7,2	4,9	7,1	6,3	7,8	7,7	7,2	9,3	8,0	100,0	3,6	6,0	6,1	7,7
O89086	Rbm3	RNA-binding protein 3	16,6	7,5	1,8	1,8	1,3	2,6	1,2	1,2	2,6	3,5	5,3	3,1	2,9	5,8	5,5	6,5	5,1	4,1	3,9	6,1	6,3	7,0	3,8	7,2	4,1	4,0	100,0	1,6	3,9	5,2	5,4
Q9CXW4	Rpl11	60S ribosomal protein L11	20,2	9,6	1,8	1,8	2,6	2,6	2,4	2,4	3,5	2,7	3,2	2,0	2,9	3,8	2,8	1,9	1,0	2,0	2,0	2,0	1,8	1,7	1,0	1,8	2,1	3,0	100,0	2,3	3,0	1,9	1,9
P47963	Rpl13	60S ribosomal protein L13	24,3	11,55	3,5	4,5	7,9	7,7	7,2	8,4	4,4	7,1	11,6	8,2	7,7	6,7	10,1	12,1	8,2	4,1	7,9	9,1	9,0	7,8	7,7	8,1	10,4	9,0	100,0	6,5	7,6	8,6	8,7
A0A1B0GQU8	Rpl18	60S ribosomal protein L18	18,1	11,91	7,1	6,3	6,5	7,7	3,6	4,8	6,2	5,3	6,3	8,2	4,8	5,8	4,6	5,6	6,1	7,2	4,9	6,1	7,2	3,5	7,7	6,3	4,1	6,0	100,0	6,0	6,1	5,7	5,8
Q8BP67	Rpl24	60S ribosomal protein L24	17,8	11,25	1,8	3,6	1,3	2,6	2,4	2,4	5,3	2,7	2,1	2,0	1,9	1,9	4,6	5,6	3,1	4,1	2,0	2,0	2,7	2,6	5,8	2,7	2,1	2,0	100,0	2,3	2,7	3,6	3,0
P14148	Rpl7	60S ribosomal protein L7	31,4	10,89	7,9	5,4	2,6	3,9	2,4	2,4	6,2	6,2	2,1	4,1	2,9	2,9	4,6	4,7	4,1	4,1	3,0	7,1	6,3	6,1	5,8	6,3	4,1	6,0	100,0	4,1	4,1	4,6	5,8
P62918	Rpl8	60S ribosomal protein L8	28	11,03	1,8	1,8	3,9	3,9	4,8	4,8	1,8	1,8	1,1	2,0	1,0	1,9	0,9	0,9	2,0	3,1	2,0	2,0	1,8	1,7	2,9	2,7	2,1	2,0	100,0	3,5	1,6	1,8	2,2
P47955	Rplp1	60S acidic ribosomal protein P1	11,5	4,32	1,8	1,8	5,2	5,1	4,8	4,8	3,5	3,5	6,3	5,1	3,9	3,8	3,7	3,7	4,1	3,1	3,9	4,0	3,6	4,4	2,9	2,7	5,2	5,0	100,0	3,9	4,4	3,8	4,0
Q91YQ5	Rpn1	Dolichyl-diphosphooligosaccharide--protein glycos	68,5	6,46	3,5	3,6	3,9	2,6	4,8	4,8	5,3	2,7	2,1	4,1	4,8	3,8	3,7	4,7	5,1	4,1	3,9	4,0	0,9	1,7	3,8	3,6	4,1	4,0	100,0	3,9	3,8	4,3	3,0
Q9DBG6	Rpn2	Dolichyl-diphosphooligosaccharide--protein glycos	69	5,81	0,9	2,7	3,9	5,1	6,0	3,6	3,5	3,5	9,5	6,1	5,8	7,7	6,4	5,6	3,1	2,0	8,9	8,1	4,5	3,5	4,8	2,7	6,2	7,0	100,0	3,7	6,0	5,7	4,8
P14131	Rps16	40S ribosomal protein S16	16,4	10,21	4,4	5,4	2,6	2,6	3,6	2,4	7,9	6,2	9,5	10,2	8,7	9,6	6,4	8,4	8,2	7,2	6,9	7,1	8,1	7,0	5,8	7,2	7,3	5,0	100,0	3,5	8,7	7,4	6,7
G3UYV7	Rps28	40S ribosomal protein S28 (Fragment)	6,3	9,96	3,5	3,6	2,6	5,1	4,8	3,6	4,4	5,3	6,3	6,1	5,8	5,8	3,7	3,7	4,1	3,1	5,9	6,1	7,2	7,0	5,8	5,4	3,1	4,0	100,0	3,9	5,6	4,4	5,4
P62908	Rps3	40S ribosomal protein S3	26,7	9,66	11,5	13,4	5,2	3,9	4,8	7,2	12,3	13,3	7,4	8,2	6,8	9,6	7,4	9,3	11,2	12,3	4,9	8,1	5,4	7,8	13,5	13,6	5,2	6,0	100,0	7,7	9,6	8,9	8,6
P62702	Rps4x	40S ribosomal protein S4, X isoform	29,6	10,15	7,1	4,5	1,3	1,3	2,4	1,2	3,5	5,3	3,2	4,1	4,8	4,8	0,9	0,9	3,1	4,1	3,0	5,1	1,8	0,9	2,9	3,6	5,2	3,0	100,0	3,0	4,3	2,8	2,9
P62082	Rps7	40S ribosomal protein S7	22,1	10,1	7,1	6,3	3,9	7,7	6,0	8,4	7,9	9,8	4,2	6,1	4,8	7,7	7,4	8,4	6,1	8,2	5,9	6,1	5,4	5,2	5,8	8,1	8,3	9,0	100,0	6,6	6,8	7,0	7,0
P14206	Rpsa	40S ribosomal protein SA	32,8	4,87	7,1	8,1	5,2	3,9	6,0	4,8	15,0	15,1	10,5	12,3	9,7	13,4	8,3	8,4	7,2	11,2	11,8	11,1	9,0	9,6	4,8	9,0	6,2	8,0	100,0	5,8	12,6	9,7	7,8
P07758	Serpina1a	Alpha-1-antitrypsin 1-1	46	5,72	7,9	8,1	6,5	7,7	6,0	6,0	1,8	0,9	7,4	6,1	5,8	9,6	3,7	3,7	3,1	3,1	3,9	4,0	4,5	3,5	1,9	1,8	1,0	2,0	100,0	7,0	5,3	3,6	2,5
P22599	Serpina1b	Alpha-1-antitrypsin 1-2	45,9	5,54	8,8	9,9	3,9	5,1	4,8	4,8	1,8	0,9	5,3	5,1	3,9	6,7	1,8	2,8	2,0	1,0	3,0	2,0	2,7	1,7	1,9	1,8	1,0	2,0	100,0	6,2	3,9	2,1	1,9
Q00897	Serpina1d	Alpha-1-antitrypsin 1-4	46	5,44	7,9	9,9	5,2	3,9	3,6	3,6	1,8	0,9	5,3	3,1	2,9	4,8	1,8	2,8	2,0	1,0	2,0	2,0	2,7	1,7	1,9	1,8	1,0	2,0	100,0	5,7	3,1	1,9	1,9
P19324	Serpinh1	Serpin H1	46,5	8,82	15,9	20,6	13,1	11,6	21,6	20,4	22,0	22,2	14,7	13,3	28,0	22,1	21,1	24,2	20,5	15,3	11,8	18,2	19,0	18,3	11,5	16,3	34,2	27,1	100,0	17,2	20,4	18,5	21,1
O70456	Sfn	14-3-3 protein sigma	27,7	4,78	6,2	3,6	1,3	2,6	1,2	2,4	5,3	1,8	5,3	10,2	5,8	6,7	0,9	1,9	4,1	4,1	1,0	4,0	7,2	6,1	3,8	3,6	5,2	4,0	100,0	2,9	5,8	2,7	5,0
Q8VIJ6	Sfpq	Splicing factor, proline- and glutamine-rich	75,4	9,44	4,4	6,3	1,3	2,6	4,8	3,6	4,4	4,4	4,2	3,1	6,8	4,8	4,6	7,4	4,1	4,1	4,9	7,1	2,7	6,1	5,8	3,6	6,2	9,0	100,0	3,8	4,6	5,4	5,6
P62315	Snrpd1	Small nuclear ribonucleoprotein Sm D1	13,3	11,56	3,5	2,7	2,6	3,9	9,6	7,2	3,5	1,8	5,3	3,1	6,8	5,8	3,7	3,7	4,1	3,1	7,9	5,1	3,6	4,4	4,8	2,7	8,3	7,0	100,0	4,9	4,4	4,6	5,1
P11983	Tcp1	T-complex protein 1 subunit alpha	60,4	6,16	2,6	1,8	6,5	6,4	6,0	4,8	3,5	1,8	1,1	1,0	1,0	3,8	5,5	2,8	1,0	2,0	2,0	2,0	1,8	1,7	1,9	1,8	4,1	3,0	100,0	4,7	2,0	2,6	2,4
Q921I1	Tf	Serotransferrin	76,7	7,18	9,7	10,8	18,3	19,3	20,4	18,0	1,8	2,7	11,6	13,3	10,6	18,2	14,7	10,2	9,2	5,1	12,8	16,2	6,3	4,4	7,7	6,3	4,1	5,0	100,0	16,1	9,7	11,4	5,6
P17751	Tpi1	Triosephosphate isomerase	26,7	7,3	15,9	9,9	13,1	10,3	15,6	10,8	16,7	16,9	20,0	24,5	16,4	23,0	23,0	25,1	17,4	19,4	14,8	12,1	19,0	14,8	22,1	23,5	13,5	14,0	100,0	12,6	19,6	18,6	17,8
Q8BSH3	Tpm1	Tropomyosin alpha-1 chain	32,7	4,77	7,1	6,3	6,5	3,9	7,2	9,6	8,8	9,8	1,1	2,0	5,8	1,9	8,3	7,4	15,3	12,3	6,9	4,0	3,6	5,2	9,6	15,4	10,4	11,0	100,0	6,8	4,9	9,0	9,2
P58774	Tpm2	Tropomyosin beta chain	32,8	4,7	2,6	1,8	6,5	3,9	7,2	9,6	6,2	8,0	1,1	2,0	5,8	1,9	6,4	5,6	12,3	9,2	5,9	3,0	3,6	3,5	4,8	10,0	10,4	11,0	100,0	5,3	4,2	7,1	7,2
E9Q5J9	Tpm3	Tropomyosin alpha-3 chain	33,3	4,79	6,2	7,2	7,9	5,1	9,6	13,2	11,4	8,9	1,1	2,0	6,8	1,9	6,4	5,6	15,3	12,3	6,9	4,0	4,5	5,2	9,6	12,7	11,4	12,0	100,0	8,2	5,3	8,4	9,2
D3Z2H9	Tpm3-rs7	Tropomyosin 3, related sequence 7	29	4,81	6,2	7,2	6,5	5,1	9,6	13,2	11,4	8,9	1,1	2,0	5,8	1,9	6,4	5,6	14,3	12,3	5,9	3,0	3,6	3,5	9,6	12,7	10,4	11,0	100,0	8,0	5,2	7,9	8,5
Q9CQN1	Trap1	Heat shock protein 75 kDa, mitochondrial	80,2	6,68	3,5	3,6	5,2	5,1	4,8	4,8	3,5	3,5	5,3	4,1	3,9	3,8	3,7	3,7	6,1	5,1	3,9	4,0	6,3	6,1	5,8	5,4	4,1	4,0	100,0	4,5	4,0	4,4	5,3
P68369	Tuba1a	Tubulin alpha-1A chain	50,1	5,06	29,1	24,2	14,4	12,9	10,8	14,4	33,4	29,3	24,2	17,4	19,3	25,9	32,2	27,9	16,4	20,4	21,7	31,3	33,4	24,4	24,0	19,9	26,9	29,1	100,0	17,6	24,9	25,0	26,3
A0A0A0MQA5	Tuba4a	Tubulin alpha chain (Fragment)	52,9	5,19	16,8	17,9	7,9	7,7	8,4	12,0	22,9	20,4	16,8	13,3	15,4	19,2	24,8	19,5	10,2	9,2	13,8	24,3	25,3	20,0	11,5	8,1	14,5	17,0	100,0	11,8	18,0	17,0	16,1
A2AQ07	Tubb1	Tubulin beta-1 chain	50,4	5,07	7,9	5,4	3,9	5,1	4,8	7,2	13,2	9,8	13,7	11,2	10,6	9,6	14,7	14,9	10,2	10,2	11,8	11,1	21,7	21,8	11,5	8,1	6,2	9,0	100,0	5,7	11,3	12,2	13,1
Q7TMM9	Tubb2a	Tubulin beta-2A chain	49,9	4,89	31,8	28,7	24,9	25,7	18,0	25,2	37,8	35,5	39,9	36,8	38,6	35,5	56,1	56,8	31,7	30,7	35,5	38,4	56,9	56,6	26,9	24,4	39,4	43,1	100,0	25,7	37,4	41,5	41,2
Q9ERD7	Tubb3	Tubulin beta-3 chain	50,4	4,93	21,2	17,9	21,0	21,9	19,2	25,2	22,9	24,0	32,6	30,7	29,0	27,8	37,7	41,9	23,5	22,5	31,5	28,3	44,2	43,5	25,0	23,5	24,9	27,1	100,0	21,1	27,8	30,9	31,4
P68372	Tubb4b	Tubulin beta-4B chain	49,8	4,89	37,1	32,3	27,5	25,7	21,6	28,8	44,9	47,0	53,6	50,1	50,2	47,0	66,2	69,8	38,9	34,8	47,3	49,5	64,1	65,3	38,5	35,3	45,6	49,1	100,0	28,8	48,8	51,1	49,6
P99024	Tubb5	Tubulin beta-5 chain	49,6	4,89	45,0	38,6	36,7	37,3	28,8	36,1	44,9	47,0	57,8	53,2	52,1	50,8	74,5	74,4	40,9	44,0	51,2	50,5	68,6	70,5	41,4	38,9	53,9	55,1	100,0	37,1	51,0	55,9	54,7
Q922F4	Tubb6	Tubulin beta-6 chain	50,1	4,89	15,0	11,7	9,2	10,3	9,6	13,2	18,5	16,9	22,1	21,5	20,3	19,2	27,6	33,5	17,4	16,4	23,6	21,2	29,8	31,3	20,2	14,5	14,5	18,0	100,0	11,5	19,7	23,3	21,4
E9Q5F6	Ubc	Polyubiquitin-C (Fragment)	22,6	7,4	18,5	16,1	7,9	6,4	6,0	6,0	19,4	16,0	8,4	9,2	14,5	12,5	11,9	12,1	13,3	16,4	7,9	9,1	12,6	10,4	14,4	15,4	5,2	6,0	100,0	10,2	13,3	11,8	10,7
Q01853	Vcp	Transitional endoplasmic reticulum ATPase	89,3	5,26	7,9	10,8	19,6	25,7	19,2	22,8	15,0	14,2	18,9	16,4	12,6	13,4	12,9	15,8	14,3	12,3	9,9	15,2	16,2	13,9	17,3	13,6	11,4	13,0	100,0	17,7	15,1	13,4	14,2
P20152	Vim	Vimentin	53,7	5,12	75,0	79,8	94,3	96,4	89,9	87,7	72,1	79,0	80,9	74,6	76,3	75,7	103,0	97,7	96,1	98,1	96,5	98,1	87,6	80,1	91,4	95,0	145,1	138,3	100,0	87,2	76,4	98,3	106,2
Q9CQV8	Ywhab	14-3-3 protein beta/alpha	28,1	4,83	7,1	7,2	1,3	2,6	1,2	2,4	10,6	8,9	6,3	9,2	7,7	9,6	8,3	8,4	12,3	8,2	2,0	4,0	9,9	9,6	7,7	6,3	8,3	7,0	100,0	3,6	8,7	7,2	8,1
P62259	Ywhae	14-3-3 protein epsilon	29,2	4,74	11,5	9,9	1,3	2,6	2,4	2,4	18,5	14,2	12,6	15,3	13,5	17,3	15,6	15,8	13,3	10,2	12,8	10,1	21,7	20,0	12,5	16,3	21,8	24,1	100,0	5,0	15,2	13,0	19,4
P61982	Ywhag	14-3-3 protein gamma	28,3	4,89	3,5	5,4	1,3	2,6	1,2	2,4	7,9	6,2	5,3	9,2	6,8	8,6	4,6	7,4	10,2	7,2	2,0	4,0	9,0	7,8	5,8	4,5	11,4	10,0	100,0	2,7	7,3	5,9	8,1
P68510	Ywhah	14-3-3 protein eta	28,2	4,89	3,5	4,5	1,3	2,6	3,6	3,6	8,8	4,4	5,3	9,2	6,8	8,6	3,7	4,7	8,2	6,1	2,0	4,0	7,2	7,8	5,8	4,5	9,3	7,0	100,0	3,2	7,2	4,8	6,9
P68254	Ywhaq	14-3-3 protein theta	27,8	4,78	4,4	4,5	1,3	2,6	1,2	2,4	7,9	3,5	3,2	7,2	5,8	8,6	8,3	6,5	6,1	7,2	1,0	4,0	9,0	8,7	3,8	5,4	7,3	5,0	100,0	2,7	6,0	5,5	6,5
P63101	Ywhaz	14-3-3 protein zeta/delta	27,8	4,79	7,9	11,7	15,7	16,7	12,0	15,6	17,6	12,4	14,7	19,4	16,4	19,2	18,4	13,0	18,4	14,3	10,8	10,1	13,5	13,9	11,5	10,9	19,7	16,0	100,0	13,3	16,6	14,2	14,3
P50516	Atp6v1a	V-type proton ATPase catalytic subunit A	68,3	5,58	1,8	1,8	1,3	0,0	3,6	2,4	2,6	5,3	1,1	3,1	2,9	1,9	5,5	5,6	5,1	3,1	3,9	3,0	0,9	0,9	4,8	7,2	2,1	2,0	95,8	1,8	2,8	4,4	3,0
P80316	Cct5	T-complex protein 1 subunit epsilon	59,6	6,02	7,1	6,3	14,4	11,6	12,0	12,0	4,4	5,3	2,1	1,0	1,9	0,0	5,5	5,6	4,1	4,1	2,0	3,0	3,6	3,5	6,7	3,6	3,1	4,0	95,8	10,6	2,5	4,0	4,1
P42932	Cct8	T-complex protein 1 subunit theta	59,5	5,62	0,0	0,9	10,5	9,0	9,6	12,0	1,8	1,8	5,3	5,1	5,8	2,9	5,5	4,7	2,0	1,0	2,0	3,0	5,4	5,2	1,9	1,8	4,1	1,0	95,8	7,0	3,8	3,0	3,3
Q62095	Ddx3y	ATP-dependent RNA helicase DDX3Y	73,4	7,53	2,6	1,8	3,9	3,9	3,6	4,8	5,3	5,3	5,3	1,0	5,8	6,7	0,9	0,0	2,0	3,1	3,9	6,1	7,2	9,6	2,9	4,5	6,2	6,0	95,8	3,4	4,9	2,7	6,1
A0A0G2JG10	Dhx15	Pre-mRNA-splicing factor ATP-dependent RNA heli	68,5	6,8	0,9	3,6	1,3	1,3	2,4	3,6	2,6	1,8	1,1	2,0	2,9	2,9	1,8	1,9	3,1	1,0	1,0	1,0	1,8	1,7	1,0	0,9	2,1	2,0	100,0	2,2	2,2	1,6	1,6
P21550	Eno3	Beta-enolase	47	7,18	4,4	5,4	17,0	14,1	13,2	12,0	7,0	7,1	11,6	11,2	10,6	6,7	3,7	3,7	2,0	0,0	7,9	7,1	9,0	10,4	3,8	1,8	12,4	10,0	95,8	11,0	9,0	4,1	7,9
P26040	Ezr	Ezrin	69,4	6,1	0,9	0,0	2,6	1,3	2,4	2,4	3,5	3,5	3,2	3,1	2,9	5,8	6,4	6,5	7,2	8,2	3,0	6,1	5,4	6,1	5,8	7,2	4,1	6,0	95,8	1,6	3,7	6,2	5,8
Q05816	Fabp5	Fatty acid-binding protein 5	15,1	6,54	2,6	2,7	2,6	5,1	0,0	1,2	1,8	0,9	4,2	5,1	4,8	3,8	1,8	1,9	2,0	2,0	3,0	2,0	1,8	1,7	2,9	1,8	2,1	4,0	95,8	2,4	3,4	2,1	2,4
Q61598	Gdi2	Rab GDP dissociation inhibitor beta	50,5	6,25	1,8	2,7	0,0	2,6	3,6	2,4	2,6	5,3	3,2	3,1	5,8	4,8	4,6	4,7	7,2	4,1	4,9	1,0	4,5	6,1	1,9	4,5	4,1	5,0	95,8	2,2	4,1	4,4	4,4
P43277	H1-3	Histone H1.3	22,1	11,03	7,9	9,9	2,6	2,6	2,4	2,4	10,6	11,5	12,6	11,2	11,6	9,6	10,1	10,2	6,1	7,2	8,9	9,1	9,0	10,4	8,7	7,2	4,1	4,0	100,0	4,6	11,2	8,6	7,3
P43274	H1-4	Histone H1.4	22	11,11	7,9	10,8	2,6	2,6	2,4	2,4	11,4	10,6	11,6	8,2	7,7	9,6	8,3	7,4	6,1	7,2	6,9	7,1	9,9	11,3	9,6	7,2	2,1	2,0	100,0	4,8	9,9	7,2	7,0
P38647	Hspa9	Stress-70 protein, mitochondrial	73,4	6,07	3,5	2,7	0,0	5,1	3,6	3,6	0,9	0,9	6,3	4,1	6,8	4,8	8,3	9,3	1,0	1,0	4,9	5,1	6,3	7,8	2,9	1,8	4,1	3,0	95,8	3,1	4,0	4,9	4,3
A0A1L1STE6	Idh3a	Isocitrate dehydrogenase [NAD] subunit, mitochon	41,5	6,93	7,1	5,4	1,3	1,3	0,0	1,2	5,3	6,2	3,2	1,0	4,8	4,8	3,7	7,4	4,1	7,2	4,9	1,0	3,6	7,0	8,7	7,2	2,1	4,0	95,8	2,7	4,2	4,7	5,4
A0A6I8MX27	Ldhb	L-lactate dehydrogenase	37,3	6,25	1,8	1,8	3,9	3,9	4,8	4,8	4,4	3,5	2,1	3,1	2,9	3,8	3,7	5,6	3,1	6,1	3,0	0,0	0,9	0,9	4,8	2,7	1,0	1,0	95,8	3,5	3,3	3,6	1,9
P26041	Msn	Moesin	67,7	6,6	3,5	0,0	7,9	5,1	10,8	8,4	5,3	6,2	7,4	11,2	10,6	12,5	8,3	10,2	17,4	16,4	6,9	12,1	9,9	14,8	12,5	13,6	12,4	15,0	95,8	6,0	8,9	11,9	13,0
P19246	Nefh	Neurofilament heavy polypeptide	116,9	5,81	2,6	2,7	2,6	2,6	2,4	2,4	2,6	1,8	3,2	2,0	2,9	1,9	0,9	0,9	3,1	3,1	1,0	1,0	1,8	1,7	3,8	3,6	0,0	2,0	95,8	2,6	2,4	1,7	2,2
Q60597	Ogdh	2-oxoglutarate dehydrogenase, mitochondrial	116,4	6,83	0,9	0,0	7,9	5,1	4,8	7,2	1,8	2,7	1,1	1,0	1,9	1,9	4,6	6,5	3,1	2,0	2,0	3,0	5,4	6,1	2,9	5,4	1,0	4,0	95,8	4,3	1,7	3,5	4,1
D6RHS6	Pebp1	Phosphatidylethanolamine-binding protein 1	14,8	5,08	4,4	2,7	2,6	3,9	2,4	2,4	3,5	1,8	2,1	2,0	1,9	1,9	1,8	1,9	2,0	1,0	2,0	2,0	1,8	1,7	1,0	0,0	5,2	5,0	95,8	3,1	2,2	1,8	2,5
P62962	Pfn1	Profilin-1	14,9	8,28	3,5	3,6	2,6	2,6	2,4	2,4	5,3	5,3	6,3	11,2	7,7	8,6	5,5	5,6	6,1	7,2	7,9	8,1	9,0	7,0	6,7	4,5	10,4	12,0	100,0	2,9	7,4	6,7	8,3
P17225	Ptbp1	Polypyrimidine tract-binding protein 1	56,4	8,34	2,6	0,9	2,6	2,6	2,4	2,4	1,8	1,8	3,2	4,1	3,9	5,8	2,8	4,7	1,0	1,0	3,9	4,0	3,6	4,4	3,8	0,0	6,2	6,0	95,8	2,3	3,4	2,9	4,0
P67984	Rpl22	60S ribosomal protein L22	14,8	9,19	1,8	1,8	2,6	1,3	2,4	1,2	1,8	1,8	2,1	2,0	1,9	1,9	1,8	1,9	2,0	2,0	2,0	2,0	1,8	1,7	1,9	1,8	2,1	2,0	100,0	1,8	1,9	2,0	1,9
P14115	Rpl27a	60S ribosomal protein L27a	16,6	11,12	1,8	1,8	1,3	1,3	2,4	0,0	3,5	1,8	1,1	2,0	1,9	2,9	2,8	1,9	2,0	3,1	2,0	2,0	3,6	4,4	1,9	2,7	2,1	2,0	95,8	1,4	2,2	2,3	2,8
P12970	Rpl7a	60S ribosomal protein L7a	30	10,56	1,8	3,6	2,6	1,3	2,4	2,4	1,8	2,7	4,2	4,1	4,8	2,9	1,8	2,8	2,0	2,0	3,9	2,0	1,8	1,7	2,9	2,7	2,1	2,0	100,0	2,3	3,4	2,4	2,2
P99027	Rplp2	60S acidic ribosomal protein P2	11,6	4,54	1,8	1,8	5,2	7,7	6,0	6,0	1,8	1,8	5,3	3,1	4,8	3,8	1,8	1,9	1,0	2,0	3,0	3,0	1,8	2,6	1,9	1,8	6,2	4,0	100,0	4,8	3,4	2,1	3,1
P62270	Rps18	40S ribosomal protein S18	17,7	10,99	7,1	10,8	0,0	1,3	1,2	1,2	13,2	13,3	6,3	6,1	4,8	4,8	9,2	6,5	11,2	9,2	5,9	5,1	12,6	11,3	12,5	12,7	2,1	4,0	95,8	3,6	8,1	7,9	9,2
P60867	Rps20	40S ribosomal protein S20	13,4	9,94	2,6	2,7	2,6	2,6	2,4	0,0	3,5	3,5	4,2	5,1	2,9	2,9	3,7	1,9	1,0	2,0	6,9	4,0	1,8	1,7	1,9	3,6	4,1	4,0	95,8	2,2	3,7	3,3	2,9
P08228	Sod1	Superoxide dismutase [Cu-Zn]	15,9	6,51	1,8	2,7	6,5	5,1	7,2	7,2	0,9	2,7	3,2	3,1	2,9	3,8	0,0	3,7	3,1	3,1	3,0	2,0	3,6	3,5	1,0	1,8	5,2	4,0	95,8	5,1	2,7	2,5	3,2
P84104	Srsf3	Serine/arginine-rich splicing factor 3	19,3	11,65	1,8	2,7	2,6	1,3	2,4	0,0	3,5	4,4	3,2	2,0	1,9	3,8	3,7	3,7	3,1	5,1	2,0	4,0	5,4	5,2	3,8	5,4	4,1	4,0	95,8	1,8	3,2	3,6	4,7
P40142	Tkt	Transketolase	67,6	7,5	2,6	4,5	10,5	10,3	12,0	8,4	4,4	8,9	4,2	9,2	8,7	8,6	4,6	5,6	7,2	2,0	7,9	7,1	1,8	0,0	5,8	4,5	10,4	8,0	95,8	8,0	7,3	5,7	5,1
F2Z471	Vdac1	Voltage-dependent anion-selective channel protei	28,1	7,36	2,6	2,7	2,6	2,6	2,4	2,4	3,5	3,5	2,1	2,0	1,9	2,9	4,6	3,7	4,1	4,1	2,0	2,0	1,8	1,7	3,8	3,6	1,0	1,0	100,0	2,6	2,7	3,4	2,2